

養和杏林手記

2016年10月14日

《病理學醫生從幕後走到台前》



| 撰文:馬紹鈞醫生

養和醫院臨床病理科及分子病理科主任

文章刊於2016年10月14日《信報財經新聞》健康生活版《杏林手記》專欄

同一疾病在不同的病人身上會有不一樣的臨床表現;同一種藥也不是每位病人都受得。運用基因組 學的原理,可促使治療變得個人化。透過病理化驗來分析基因變化,可提供度身訂造的治療方案, 達至精準醫學。這發展令病理學醫生的角色,由幕後的診斷疾病擴展到直接指導治療。

由於每人的基因結構不同,病人的病徵以至用藥的反應都各異,容我用以下例子解釋一下。

60 歲的陳女士從不吸煙,在身體檢查時發現右上肺葉有陰影,其後抽組織化驗, 病理診斷是腺癌 (肺癌的一種)。基因檢查發現其癌細胞帶有 EGFR 基因變異,是東方人常見的肺癌基因突變,這類 病人對標靶藥敏感。醫生於是用針對 EGFR 的抑制劑治療陳女士,反應理想。2 年後,陳女士的肺癌 仍處於緩解狀態,沒有復發跡象。

另一例子,45 歲的黃小姐近來經常咳嗽,並且氣促加劇,要入院治療。醫生發現黃小姐兩邊肺都有陰影及肺積水。黃小姐的情況急轉直下,需要進入深切治療部用氧氣輔助呼吸。醫生爲黃小姐進行氣管鏡抽取組織檢查,病理診斷同樣是肺癌中的腺癌。但基因檢查發現黃小姐的癌細胞沒有攜帶EGFR 基因突變,而在熒光原位雜交技術下,發現其癌細胞帶有 ALK 融合基因。醫生於是處方美國食品及藥物管理局(FDA)新認可的抗 ALK 抑制劑給黃小姐進行治療。

一個星期後,黃小姐已經可以離開深切治療部。從這兩個案例來看,同樣是腺癌,但 EGFR 型和 ALK 型在治療方向上完全不同,委實是等於兩個病。換句話說,單靠型態學的病理診斷是不足夠,要配合基因測試的病理化驗結果,才可對症下藥。

現今的基因排序技術一日千里,已從純粹科研的層面走進臨床化驗應用。基因排序技術由十多年前每段 DNA 看一次,發展成同時檢查過百萬段 DNA 和每段重複看過千次。

癌症治療精準

這樣龐大的數據吞吐量,促使病理化驗室可以同時檢測多個與癌症有關的基因,甚至進行外顯子組或基因組的排序,從而找出更多藥靶以及預後方面的資料,用來指導治療。而且檢測收費大眾化和兩三周之內有化驗結果。由此看來,運用新一代基因排序技術(Next Generation Sequencing)大大增加了在癌細胞內找到藥靶的機會,換句話說是造就了精準醫學治療。這尤其爲末期或藥石無靈的癌症患者帶來希望。

當然,個人化治療並不局限於腫瘤基因化驗,也可以分析病人與生俱來的基因。例如基因藥理就是幫助病人避免一些嚴重的藥物不良反應,或幫助醫生替病人選擇最適合的藥物及劑量,像度身訂造一樣。最近的醫學研究發現,和遺傳性卵巢癌有關的 BRCA1 及 BRCA2 基因缺陷,原來可以用 PARP-1 抑制劑有效地治療。換句話說,測試 BRCA1 及 BRCA2 先天性基因缺陷,除了可預測乳癌和卵巢癌的風險外,其實也是標靶治療的一種藥靶。

從前的病理學醫生,工作集中於疾病診斷、分類及研究發病因素方面。現今的病理學醫生,因爲掌握並運用分子病理技術,所以可從化驗報告結果中直接指導病人治療,成爲精準或個人化醫學不可或缺的一環。分子病理學的意義在於化驗細胞中的 DNA、RNA 或蛋白質,並將結果應用到臨床診症上。

分子病理化驗

除了輔助斷症及疾病分類這些傳統的病理學範疇外,分子病理更可應用到預後(即根據病人現時的狀況,推算病情發展)、風險分層、尋找藥靶、監控治療及疾病篩查等重要的領域。近年分子病理化驗的敏感度愈來愈高,最新的技術甚至可以由病人的血液樣本檢測出 EGFR 基因突變, 而不需要直接從腫瘤抽組織化驗。病理學醫生的角色,也由從前在幕後像偵探一樣的工作性質,轉而要經常參與跨學科臨床會診,或直接向病人解釋分子病理化驗結果,成爲幕前臨床隊伍重要成員之一。

不過,讀者要明白精準醫學也有局限性的,因爲用基因組學的方法不是在每位癌症病人上都可找到藥靶。在相對昂貴化驗費用的前提下,醫生應該在化驗前跟病人溝通清楚,讓病人明白利弊。更大的問題是當找到些性質不明的基因變化,不能應用之餘,也徒添病人的心理壓力。再者有很多新藥的臨床實證有限,研究結果反映藥力未達預期,或只是在研究階段,是否可增加存活率成疑。病人用了標靶藥後,也不是一了百了,是要經常監察病情的,因爲用藥一段時間後,有機會出現抗藥性。

總括而言,病理學醫生應該負起把關的角色,務求化驗準確之餘,也要在醫學實證而非商業角度作 爲出發點,做好化驗前的諮詢和輔導,和化驗後針對結果提供臨床有用的解釋,爲病人謀求最大的 福祉。

|撰文:馬紹鈞醫生

養和醫院臨床病理科及分子病理科主任